

Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - 935 genotyper från 24 populationer av tall från Norra Europa

SND-ID: 2020-208-1. **Version:** 1. **DOI:** <https://doi.org/10.5878/8bg9-ah89>

Ladda ner data

All_individuals_935.vcf.gz (58.86 MB)

Tillhörande dokumentation

Data description and analysis_Archive.pdf (338.31 KB)

Data description and analysis_Bookmarks.pdf (189.2 KB)

Ladda ner alla filer

2020-208-1-1.zip (~59.38 MB)

Citering

Hall, D. (2021) Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - 935 genotyper från 24 populationer av tall från Norra Europa (Version 1) [Dataset]. Umeå universitet. Tillgänglig via: <https://doi.org/10.5878/8bg9-ah89>

Skapare/primärforskare

[David Hall](#) - Umeå universitet, Ekologi Miljö och Geovetenskap

Forskningshuvudman

[Umeå universitet](#) - Ekologi Miljö och Geovetenskap

Beskrivning

I den här studien undersökte vi den lokala anpassningen av tidspunkten för invintring och den genetiska variationen hos naturligt tallbestånd i norra Europa. Det geografiska området av studien sträcker sig från Norge i väster till och Komi-regionen i västra Ryssland fram till Uralbergen. Drygt 5000 frön från 56 populationer såddes upp och utsattes för frystemperaturer för att skatta deras frosttolerans och variationen i egenskapen över det geografiska området av denna studie. Från 24 av dessa 56 populationer samlades barr för att extrahera DNA till genotypning för att också kvantifiera den genetiska variationen hos tall i norra Europa och för att undersöka om det finns en tydlig populationsstruktur. Dessutom skulle det studeras om det finns spår av lokal anpassning i den del av genomet som sekvenserades och om dessa spår går att koppla till variationen i frosttolerans.

Basparvarianter för 935 *Pinus sylvestris* baserat restriktionsezyms sekvensering på Illumina HiSeq X plattform. Textfil i form av gzipped vcf (.vcf.gz). Se "pheno_pop.txt" för information om varje individ.

Data innefattar personuppgifter

Nej

Språk

[Engelska](#)

Tidsperiod(er) som undersökts

1985 - 2017

Variabler

11039

Dataformat / datastruktur

[Text](#)

Geografisk utbredning

Geografisk plats: [Nordeuropa](#)

Geografisk beskrivning: Datat kommer från tallfrö som insamlats i Norge, Sverige, Finland, Archangelsk- och Komi- regionerna i Ryssland

Ansvarig institution/enhet

Ekologi Miljö och Geovetenskap

Forskningsområde

[Bioinformatik \(beräkningsbiologi\)](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Genetik](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Evolutionsbiologi](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Skogsvetenskap](#) (Standard för svensk indelning av forskningsämnen 2011)

[Biologi och ekologi](#) (INSPIRE topic categories)

[Geovetenskap](#) (INSPIRE topic categories)

[Miljö](#) (INSPIRE topic categories)

[Positionering](#) (INSPIRE topic categories)

Nyckelord

[Genetic population structure](#), [Population structure](#), [Population genetics](#), [Tall](#), [Pinus sylvestris](#), [Gbs](#)

Publikationer

Hall et al. 2021. Divergent pattern between phenotypic and genetic variation in Scots pine. Plant Communications

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.xplc.2020.100139>

Polygon (Lon/Lat)

4.21875, 71.045528819336

4.21875, 55.776573018668

65.828277734403, 55.776573018668

65.828277734403, 71.045528819336

4.21875, 71.045528819336

Tillgänglighetsnivå

Åtkomst till data via SND

Data är fritt tillgängliga

Användning av data

[Att tänka på vid användning av data som delas via SND](#)

Licens

[CC BY-SA 4.0](#)

Versioner

Version 1. 2021-01-29

Relaterade forskningsdata i SND:s katalog

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - 746 obesläktade genotyper från 24 olika populationer av tall från Norra Europa](#)

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Normaliserade skadegraden från frystest hos varje genotypad fröplanta](#)

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Miljövariabler och koordinater för varje population](#)

[Olika mönster mellan genetisk variation och lokal anpassning hos tall - Resultatsprotokoll från frystet av fröplantorna](#)

Ladda ner metadata

[DataCite](#)

[DDI 2.5](#)

[DDI 3.3](#)

[DCAT-AP-SE 2.0](#)

[JSON-LD](#)

[PDF](#)

[Citation \(CSL\)](#)

[Filöversikt \(CSV\)](#)

Publicerad: 2021-01-29